

# HAL-RIIP

## archive ouverte pour le réseau international des Instituts Pasteur

<http://hal-riip.archives-ouvertes.fr>

# HAL-RIIP



- Accueil
- Déposer
- Consulter ▾
- Rechercher
- Services ▾
- Mon espace ▾
- Privileges ▾

Accueil

## HAL - RIIP

HAL-RIIP est une plateforme qui permet le dépôt en ligne des travaux scientifiques et leur consultation.

Pour vous inscrire, déroulez le menu **Connexion** en haut à droite et cliquez sur **Créer un compte**

Support de cours de la médiathèque scientifique de l'Institut Pasteur de Paris



### DERNIERS DÉPÔTS



Melina Vallbracht, Delphine Brun, Matteo Tassinari, Marie-Christine Vaney, Gerard Pehau-Arnaudet, et al.. Structure-function dissection of the Pseudorabies virus glycoprotein B fusion loops. Journal of Virology, American Society for Microbiology, 2017, (10.1128/JVI.01203-17) . (pasteur-01632896)

**RECHERCHE**

Termes de recherche

**DOCUMENTS AVEC TEXTE INTÉGRAL**

1 924

**NOMBRE DE RÉFÉRENCES BIBLIOGRAPHIQUES**

2 361

**ACTUALITÉS**

**DÉCLARATION DE DAKAR POUR LA SCIENCE OUVERTE EN AFRIQUE** (13/11/17)

**LE LIBRE ACCÈS EN ASIE** (13/11/17)

**VOS DÉPÔTS S’AFFICHENT DANS PUBMED** (13/11/17)

**CONSULTER LA POLITIQUE DES ÉDITEURS**

**SHERPA/R·M·E·O**

Titre du journal  Editeur

Est exactement  Commence par  Contient  ISSN

Consulter la politiques des éditeurs également sur

Héloïse

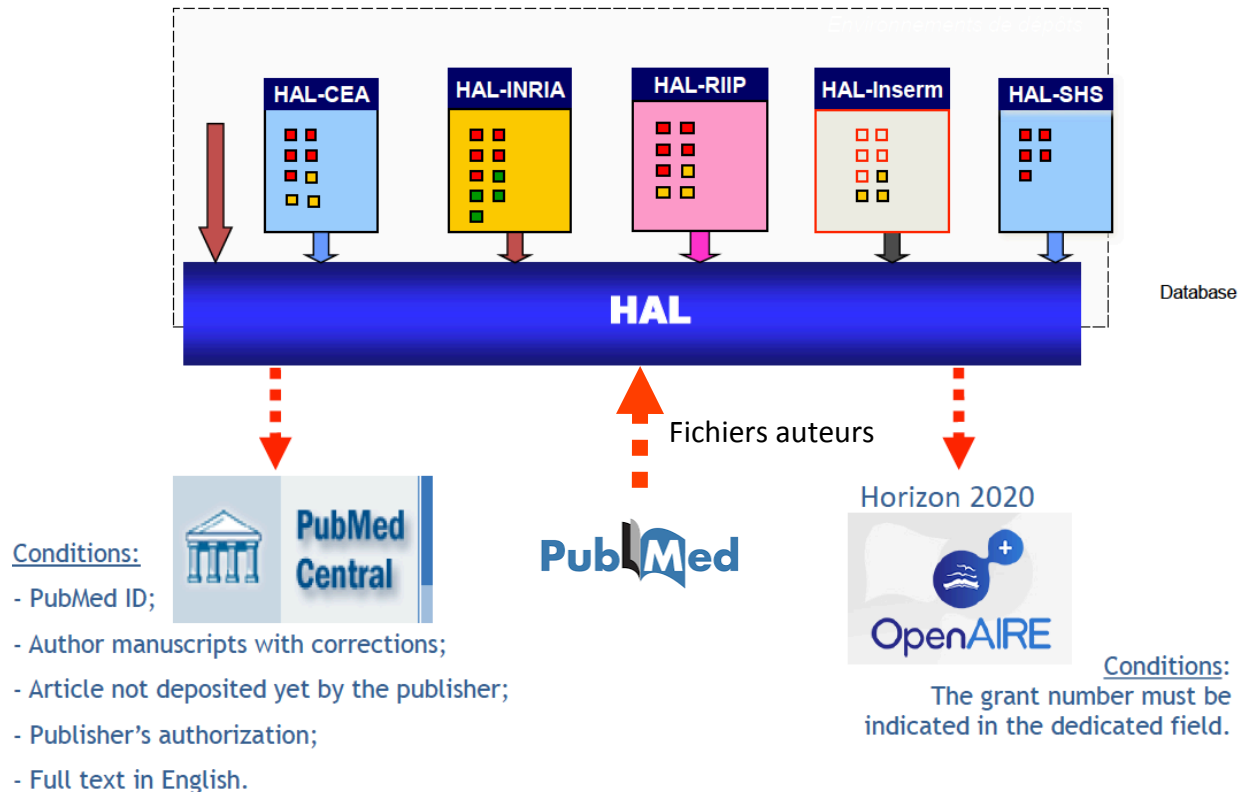
# FICHE D'IDENTITÉ de HAL

- HAL créé en 2001; HAL-PASTEUR en 2007 ; HAL-RIIP en 2009
- 120 portails
- Pluridisciplinaire ; portails institutionnels et thématiques (HAL-SHS, TEL)
- Géré par UMS CCSD-CNRS-Université Lyon 1-INRIA
- Connecté à d'autres grandes archives ArXiv, PubmedCentral
- Archivage à long terme au CINES
- Les auteurs conservent leurs droits intellectuels
- S'appuie sur des référentiels (auteurs, structures, revues, domaines, projets)

# Structure de HAL / Échange avec d'autres portails

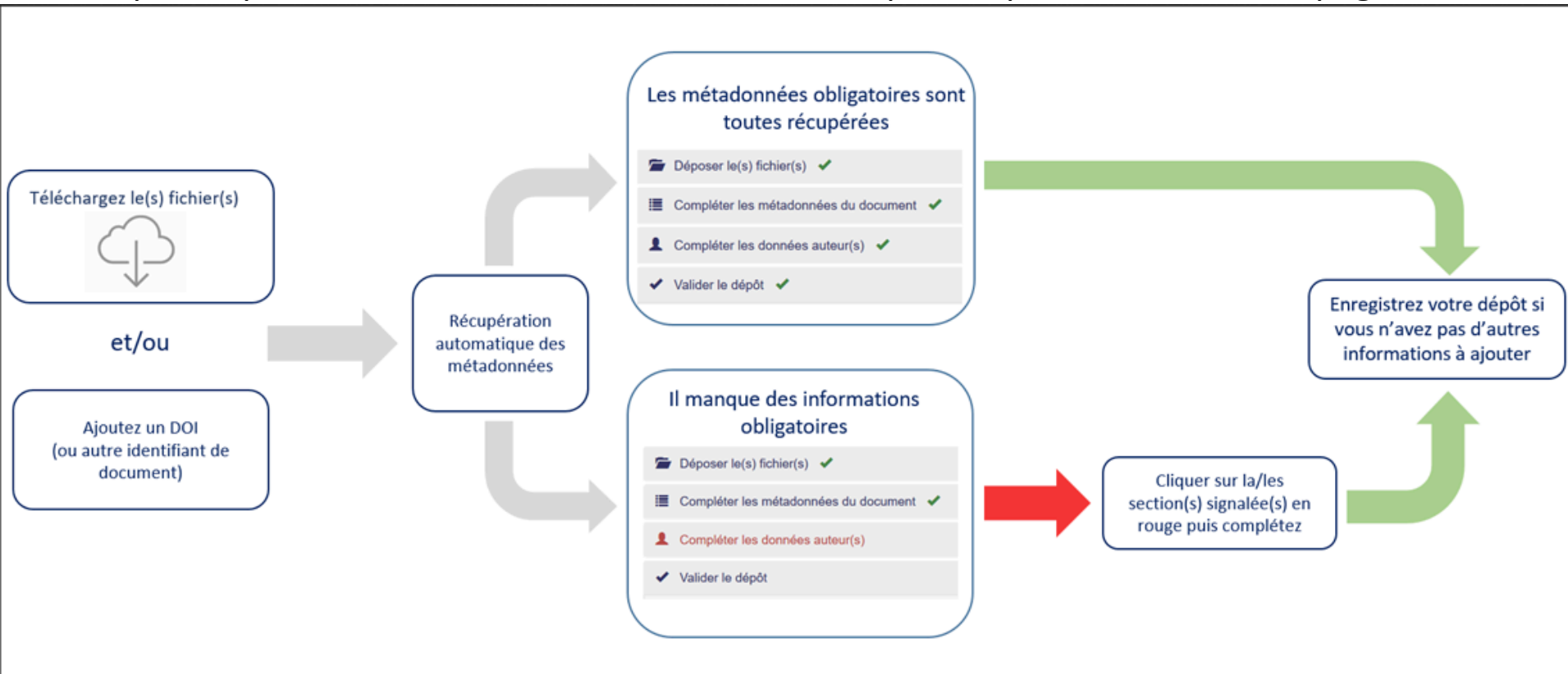


## HAL / HAL-RIIP / externals links



# Schéma du dépôt simplifié dans HAL

Depuis septembre 2017 : nouvelle interface de dépôt simplifié en une seule page




# Déposer le fichier / Charger les métadonnées à partir d'un identifiant

📁 Déposer le(s) fichier(s) ✓

Afficher la vue détaillée ☐

Vous pouvez déposer un fichier et/ou compléter votre dépôt à partir d'un identifiant externe.



Déposez ou cliquez pour télécharger vos fichiers

Taille maximale du fichier : 200M

### Chargez les métadonnées à partir d'un identifiant

Les informations associées à cet identifiant permettront de remplir automatiquement votre dépôt. Par exemple, le DOI est un code qui apparaît généralement sur la page de votre article sur le site de l'éditeur.

PubMed ▾ 28796794

Récupérer les métadonnées

→ Origine du fichier  
→ Embargo

Si vous souhaitez ajouter un embargo, récupérer des fichiers de votre espace FTP ou toute autre action avancée, veuillez afficher la vue détaillée.

☰ Compléter les métadonnées du document

👤 Compléter les données auteur(s) ✓

✓ Valider le dépôt

# Ajouter le type de fichier et l'embargo

On obtient cet écran quand on a cliqué sur « Afficher la vue détaillée »

📁 Déposer le(s) fichier(s) ✓

Afficher la vue détaillée ✓

*Vous pouvez déposer un fichier et/ou compléter votre dépôt à partir d'un identifiant externe.*

**Transférez les fichiers**

📁 Sélectionner les fichiers...    Saisir l'adresse URL du fichier à récupérer    🌐 Récupérer

Fichier	Origine	Format	Visibilité / Embargo	Actions
1-s2.0-S0025556415001777-main.pdf (365.86 Ko)	Les fichiers que je dépose sont des fichiers	Document (pdf, jpg, ...)	immédiatement (2017-11-13)	✎ 🗑️
<b>Fichiers auteur</b> Les fichiers que je dépose sont des fichiers produits par l'(les) auteur(s)				
<b>Fichiers éditeur</b> J'ai vérifié que cet éditeur fait partie de ceux qui autorisent le dépôt des fichiers éditeurs sur une archive ouverte J'ai obtenu l'accord explicite de cet éditeur pour ce dépôt particulier L'institution a financé les frais de publication pour que cet article soit en libre accès				

es fichiers 🗑️

# Dépôt de fichier - Quels sont vos droits ?

## Dépôt de fichier - Quels sont vos droits ?

Vous déposez le fichier téléchargé depuis le site de l'éditeur ?  
Votre fichier contient un scan de la version publiée ?

Dans quel cas pouvez-vous le faire :

\* la publication est sous licence Creative Commons  
(présence de la mention CC-BY ou @the authors)



\* l'éditeur l'autorise : consultez le site Sherpa/Romeo pour vérifier  
(mention « author can archive publisher's version/PDF »)

\* vous avez l'autorisation de l'éditeur  
(affichez la vue détaillée puis sélectionnez l'option « j'ai l'accord explicite »)

Si aucune de ces conditions n'est remplie, choisissez plutôt de déposer la version avant publication (dernière version avant publication ou postprint).

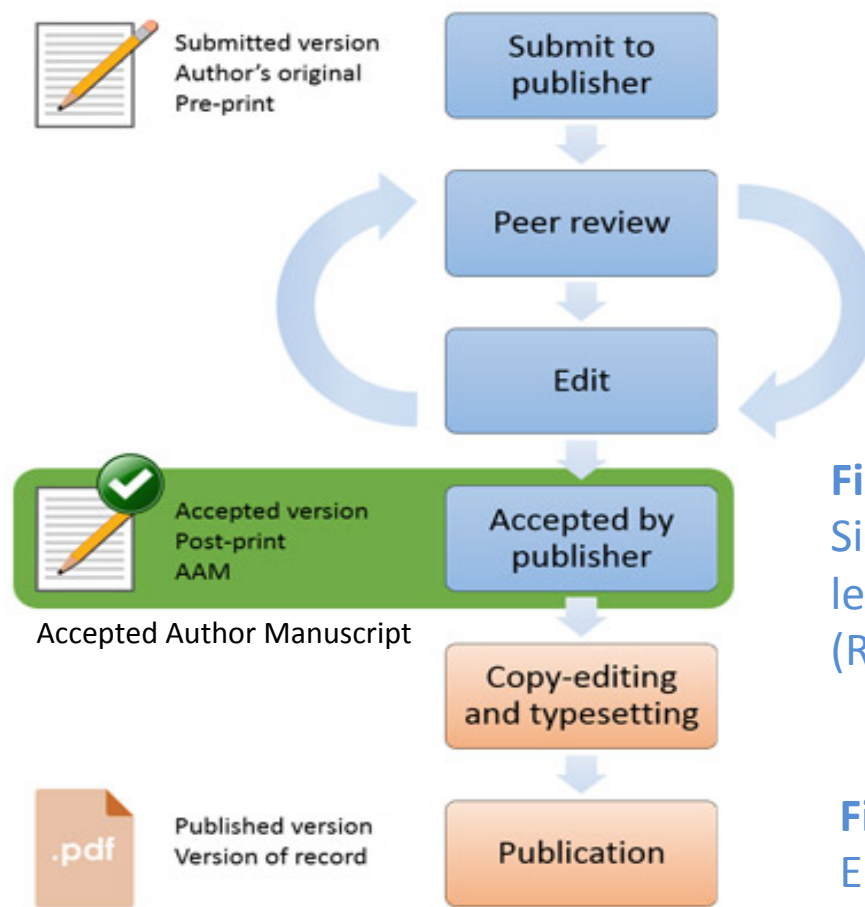
Pour un article publié dans une revue et si les recherches ont été financées au moins pour moitié sur fonds publics, la Loi pour une République Numérique (art. 30) protège les auteurs contre les durées d'embargo très longues que certains éditeurs imposent pour la version postprint. La loi limite à 6 mois maximum pour les STM et 12 mois pour les SHS. Affichez la vue détaillée pour appliquer une durée d'embargo.

Ne plus afficher

Ok



# Formats de fichier à déposer



**Fichier auteur** = post-print  
Si l'éditeur n'autorise pas le dépôt de son fichier pdf (Revue publiée en abonnement)

**Fichier éditeur** :  
En particulier si licence CC (revue publiée en Open Access)

# Fichier auteur / Fichier éditeur

Dépôt dans **HAL**  
archives-ouvertes.fr

## Quel document déposer?

Implementing Evidence-Based Practice: A Review of the Empirical Research Literature<sup>1</sup>

**Abstract**

The paper reports on the findings of a review of empirical studies examining the implementation of evidence-based practice (EBP) in the human services. Eleven studies were located that defined EBP as a research-informed, clinical decision-making process and identified barriers and facilitators to EBP implementation. A thematic analysis of the findings of the 11 studies produced a list of barriers to EBP implementation grouped in terms of: inadequate agency resources dedicated to EBP; skills and knowledge of practitioners; organisational culture; the research environment; practitioner attitudes; and inadequate supervision. Given the limited and exploratory nature of available research on EBP implementation, tentative findings suggest that to facilitate the uptake of EBP in social work and human services practice, strategically-driven, adequately-resourced, multifaceted approaches to EBP capacity building in organisations are needed.

**Key words:** knowledge transfer, research implementation, evidence-based practice, human services, systematic review

<sup>1</sup> Gray, M., Jay, E., Plath, D., & Webb, S.A. (2013). Implementing evidence-based practice: A review of the empirical research literature. *Research on Social Work Practice*, 23(2), 157-166.



Health Policy and Technology (2014) 3, 222-225

Available online at [www.sciencedirect.com](http://www.sciencedirect.com)

**ScienceDirect**  
ELSEVIER  
journal homepage: [www.elsevier.com/locate/hpt](http://www.elsevier.com/locate/hpt)

**The role of genomic medicine in transforming healthcare**

Heather Fraser<sup>a,\*</sup>, Aditya Pai<sup>b</sup>

<sup>a</sup>BM, United Kingdom  
<sup>b</sup>BM, Canada  
Available online 22 October 2014

For the past thirteen years, since the first draft of the Human Genome Project was announced, hopes have been high for genomic medicine to be the promise for many health conditions from diagnosis to treatment. After the project was complete in 2003 [1], the initial examples of success did not match these high expectations. But today there is a renewed optimism in the healthcare industry. The decreased cost of whole-genome sequencing along with new advances in cognitive computing and drug discovery has created a new paradigm where genomic data will soon be combined with electronic health data. Care providers are increasingly relying on genomic data to add another level of personalization to an individual's care plan. Cognitive computing and other analytics technologies can provide for precision care where decision support enables a reliable diagnosis and care plan, along with treatment options. Although many challenges still exist, genomic medicine has now moved from a vision to reality. It exists in small, but increasing clusters across the healthcare ecosystem with examples ranging from the prediction of drug response to the diagnosis of disease, through to the identification of targeted therapies. This advance is partly due to major advances that have occurred in next-generation sequencing, genome-wide association studies, and bioinformatics. In addition, our view of the human genome has expanded to a broader view of the human microbiome [2]. So what is different today and what is driving the new level of optimism for the future of genomic medicine?

- **Technological innovation:** High-performance computing is in step with that of gene discovery, whole-genome sequencing cost and speed and making the processing of large data sets easier. In addition, the advent of cognitive computing which has allowed systems to make use of natural language processing and machine learning to ingest large and ever-expanding data volumes.
- **Market demand:** The increased expectation and market demand for targeted products, such as drugs and tests, can offer significant and faster advantages over the traditional industry methods. Genomics is also converging with social media, as evidenced by the sharing of health experiences and questions online. This convergence has led to near-instant dissemination of new discoveries, as well as new forms of social and scientific collaboration.
- **Consumers:** Growing commercialization of genomics is evidenced by the increased uptake of direct-to-consumer genetic testing, and in more recent regulatory concerns and recommendations about such technologies. [3] Regulatory and legislative precedents [4,5] to protect consumers of genomic data have led to increased awareness of its sensitive nature.

Genomic medicine is set to be a "game-changer" for healthcare ecosystem stakeholders including patients, providers, researchers, payers, diagnostic companies, policy makers, life sciences and governments with significant impacts already underway.

**Growing use of a new genomic health record**

In the next few years, it is likely that an individual who interacts with the healthcare system will have a genome-based electronic record or "genomic health record." This



# Politique des éditeurs



Publisher copyright policies & self-archiving

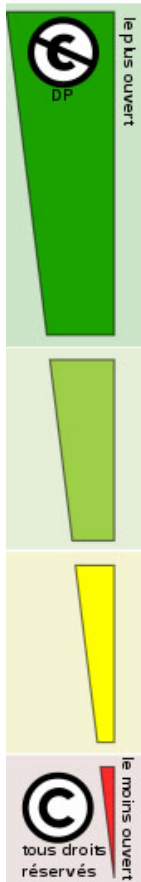
## Open Access Journal

## Revue en abonnement

Journal:	<a href="#">PLoS ONE</a> [1] (ESSN: 1932-6203)
RoMEO:	This is a <u>RoMEO green</u> journal
Listed in:	<a href="#">DOAJ</a> as an open access journal
Author's Pre-print:	✓ author can archive pre-print (ie pre-refereeing)
Author's Post-print:	✓ author can archive post-print (ie final draft post-refereeing)
Publisher's Version/PDF:	✓ author can archive publisher's version/PDF
General Conditions:	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Creative Commons Attribution License 4.0</li> <li>• Authors retain copyright</li> <li>• Eligible UK authors may deposit in <a href="#">OpenDepot</a></li> <li>• Publisher's version/PDF may be used</li> <li>• Published source must be acknowledged with citation</li> <li>• Author's pre-prints can be deposited in pre-print servers</li> <li>• Publisher will deposit articles in PubMed Central</li> </ul>

Journal:	<a href="#">EMBO Reports</a> [1] (ISSN: 1469-221X, ESSN: 1469-3178)
RoMEO:	This is a <u>RoMEO yellow</u> journal
Paid OA:	A paid open access option is available for this journal.
Author's Pre-print:	✓ author can archive pre-print (ie pre-refereeing)
Author's Post-print:	✗ subject to Restrictions below, author can archive post-print (ie final draft post-refereeing)
Restrictions:	<ul style="list-style-type: none"> <li>• 6 months embargo</li> </ul>
Publisher's Version/PDF:	✗ author cannot archive publisher's version/PDF
General Conditions:	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Pre-print on pre-print servers only, such as arXiv and Nature Proceedings</li> <li>• Post-print on funding body's archive, author's personal website and institutional repository</li> <li>• Published source must be acknowledged</li> <li>• Must link to publisher version with DOI</li> <li>• Publisher's version/PDF cannot be used</li> <li>• Publisher will deposit on behalf of authors the accepted version to PubMed Central after 6 months embargo</li> </ul>
Mandated OA:	(Awaiting information)
Paid Open Access:	<a href="#">EMBO Open</a>

# Les licences Creative Commons



## Les 6 licences

Désignation complète du contrat	Terme abrégé désignant la licence	Symboles désignant la licence			
Paternité	CC-by				
Paternité Partage des conditions initiales à l'identique	CC-by-sa				
Paternité Pas de modification	CC-by-nd				
Paternité Pas d'utilisation commerciale	CC-by-nc				
Paternité Pas d'utilisation commerciale Partage des conditions initiales à l'identique	CC-by-nc-sa				
Paternité Pas d'utilisation commerciale Pas de modification	CC-by-nc-nd				

# Compléter les métadonnées

## ☰ Compléter les métadonnées du document

Afficher la liste complète des métadonnées

Type de document \*

\* Champs requis

Article dans une revue

Titre \*

Vous pouvez renseigner le titre en plusieurs langues : choisir la langue et cliquer sur + pour ajouter une nouvelle langue

Factors associated with stunting in healthy children aged 5 years and less living in Bangui (RCA)

anglais ▾

français ▾

Domaine \*

Le domaine que vous mettrez en premier, sera considéré comme la discipline principale de l'article. L'ordre des domaines peut être changé par glissé/déposé.

pédiatrie

- ▾ Sciences du Vivant [q-bio]
  - ▾ Médecine humaine et pathologie
    - ▾ Pédiatrie

Réduire la liste des domaines

# Description du document : les métadonnées

'Domaine' champ obligatoire : HAL affiche par défaut le ou les domaines de votre profil.  
Un sous-domaine au moins doit être sélectionné, pour accéder aux sous-domaines, cliquer sur le triangle noir.  
Le ou les domaines affichés par défaut peuvent être supprimés.

## Domaine \*

*Le domaine que vous mettrez en premier, sera considéré comme la discipline principale de l'article. L'ordre des domaines peut être changé par glissé/déposé.*

✚ Biochimie, Biologie Moléculaire 🗑

Ajouter un domaine

- ▼ Sciences de l'Homme et Société
  - 📁 Anthropologie biologique
- ▼ Sciences du Vivant
  - 📁 Bio-Informatique, Biologie Systémique
    - ▶ Biochimie, Biologie Moléculaire
    - ▶ Biologie animale
    - ▶ Biologie cellulaire
    - ▶ Biologie de la reproduction
    - ▶ Biologie du développement
    - ▶ Biologie végétale
    - ▶ Microbiologie et Parasitologie
  - ▼ Neurosciences
    - 📁 Neurobiologie

Réduire la liste des domaines

biologi



Saisissez un mot pour accélérer votre recherche

# Métadonnées (suite)

\* Champs obligatoires

Nouveau champ :  
A paraître

Mots-clés

*Vous pouvez renseigner plusieurs mots-clés en plusieurs langues : choisir la langue et cliquer sur + pour ajouter un mot-clé dans la langue sélectionnée. Les caractères "," (virgule) et ";" (point-virgule) peuvent être utilisés pour séparer une liste de mots-clés.*

Word of mouth	anglais	🗑️
Vaccination	anglais	🗑️
Mathematical model	anglais	🗑️
Game theory	anglais	🗑️
	anglais	+

Identifiants

*Ajoutez l'identifiant DOI ou les identifiants de ce dépôt dans les bases arXiv, PubMed, ADS et autres.*

10.1016/j.mbs.2015.08.023	DOI	🗑️
	arXiv	+

**Langue du document \***

anglais

**Nom de la revue \***

📍 Math Biosci - Mathematical Biosciences (ISSN : 0025-5564)  
— Published by Elsevier  
— SHERPA/RoMEO : green Can archive pre-print and post-print or publisher's version/PDF [\(Plus d'info sur ce journal\)](#)

**Date de publication \***

*Renseignez la date au format AAAA-MM-JJ ou AAAA-MM ou AAAA*

📅 2015-11

**A paraître**

*Si vous choisissez l'option "A paraître", la date de publication ne sera plus obligatoire*

Volume

269

Page/Identifiant

130 - 134

# Les auteurs

En passant la souris sur le nom de l'auteur, on active le menu déroulant « Pour cet auteur »  
On peut le modifier (développer un prénom par exemple), le supprimer,  
Ou choisir sa fonction : auteur correspondant et ajouter l'adresse e-mail

The screenshot shows the HAL-RRIIP interface for managing authors. Two authors are listed:

- Voahangy Andrianaivoarimanana** (Auteur)
  - Unité Peste [Antananarivo, Madagascar]
  - Alouter une affiliation
- Sandra Telfer** (Auteur)
  - School of Biological Sciences

A dropdown menu for 'Pour cet auteur' is open, showing options: Modifier, Supprimer, and Choisir la fonction. A modal window for Voahangy Andrianaivoarimanana is also open, showing a list of roles with 'Auteur correspondant' selected. The modal window also includes an 'Email \*' field and an 'Enregistrer' button.

Permet de modifier l'ordre des auteurs



# Affiliation des auteurs

- Ajouter une affiliation

Vert : structure validée dans le référentiel

Jaune : structure fermée

Rose : Structure non valide

✚ Thierry Frank

- **Institut Pasteur de Bangui**

Choisir VERT ou JAUNE. ROSE si rien d'autre  
« Ajouter une nouvelle structure » si aucun  
Labo trouvé

✚ Alain Farra

- institut pasteur de bangui

**Ajouter une nouvelle structure**

✚ Clotaire Institut Pasteur de Bangui

- Institut Pasteur de Bangui  
- RIIP Réseau International des Instituts Pasteur ; Institut Pasteur de Bangui

Institut Pasteur de Bangui  
Institut Pasteur de Bangui

✚ Tamara Giles-Vernick

- **Epidémiologie des Maladies Emergentes**

# Affiliation des auteurs

**Modifier** : en grisé si unité validée (verte) ; on peut modifier uniquement si labo rose non validé

**Voir les détails** : affiche les institutions de rattachement

**Supprimer** : enlever cette affiliation

The screenshot displays a user interface for managing author affiliations. It lists three authors, each with a plus icon and a label 'Auteur'. The first author, Mirdad Kazanji, has a list of affiliations. The first affiliation, 'Institut Pasteur de Bangui', is highlighted with a red box. A dropdown menu is open for this affiliation, also highlighted with a red box, showing options: 'Modifier', 'Voir les détails', 'Supprimer', 'Associer à tous les auteurs', and 'Supprimer pour tous les auteurs'. Below each author's name is a text input field labeled 'Ajouter une affiliation'.

-Pour affilier un autre auteur à un laboratoire déjà présent :  
cliquer sur le laboratoire, glisser jusqu'à l'auteur à affilier et relâcher

# Validation du dépôt



✓ Valider le dépôt ✓

**Article dans une revue**

Pascale Vonaesch, Laura Tondéur, Sébastien Breurec, Petula Bata, Liem Binh Luong Nguyen, et al.. Factors associated with stunting in healthy children aged 5 years and less living in Bangui (RCA). *PLoS ONE*, Public Library of Science, 12 (8), pp.e0182363. <10.1371/journal.pone.0182363>

Annuler **↓ Déposer**

Le bouton **Déposer** est présent si votre dépôt est complet

Vos dépôts arrivent en modération. Pour les visualiser pendant cette période : Allez dans [Mon espace/Mes dépôts](#), ils sont listés dans la rubrique [Documents en attente de vérification](#) : vous pouvez les consulter ou les supprimer mais pas les modifier.

# Mon espace / mes dépôts

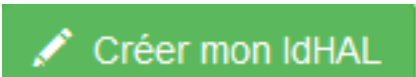
Vos dépôts arrivent en modération. Pour les visualiser pendant cette période : Allez dans [Mon espace/Mes dépôts](#), ils sont listés dans la rubrique *Documents en attente de vérification* : vous pouvez les consulter ou les supprimer mais pas les modifier.

The screenshot shows the HAL user interface. At the top, there is a navigation bar with buttons for 'Accueil', 'Déposer', 'Consulter -', 'Rechercher', 'Services -', 'Mon espace -', and 'Privèges -'. Below this, the breadcrumb 'Mon espace / Mes dépôts' is visible. A dropdown menu is open under 'Mon espace -', listing options: 'Mes dépôts', 'Lier mes ressources', 'Mon profil', 'Mes partages de propriétés', 'Mes partages de fichiers sous embargo', 'Mes documents sur l'espace FTP', 'Mes recherches', 'Ma bibliothèque', and 'Mes statistiques'. The 'Mes dépôts' option is highlighted in orange. Below the menu, the 'Documents en attente de vérification' section is highlighted with a red box. It contains a table with columns 'Identifiant', 'Référence', and 'Date de dépôt'. A red badge with the number '1' is in the top right corner of this section. Below this, the 'Documents en ligne' section is visible, with a red badge showing '138' documents.

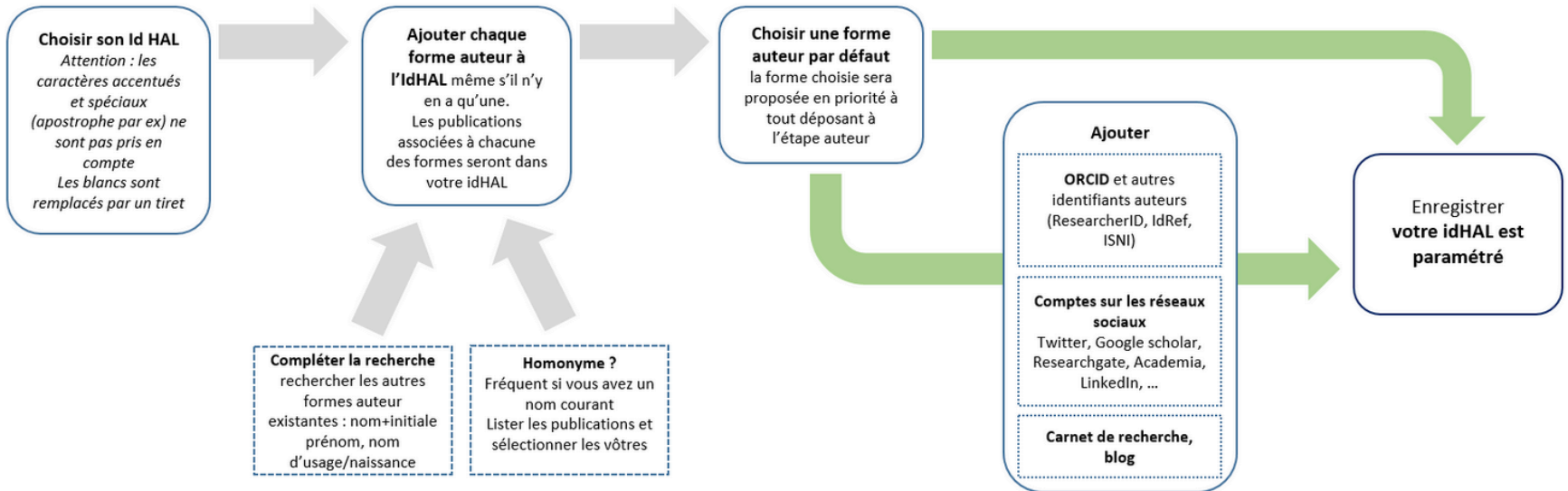
Identifiant	Référence	Date de dépôt
<input type="radio"/> <b>pasteur-01634619</b> , v1	Irene Pegha Moukandja, Edgard Ngoungou, Guy pregnant women in Franceville, Gabon. BMC Pre (pasteur-01634619)	2017-11-14 12:20:00

**Documents en ligne** 138

# Mon CV / mon IdHAL

- L'**idHAL** est un identifiant. Il permet à un utilisateur authentifié, **connu comme auteur dans HAL**, de regrouper toutes ses publications, quelles que soient les différentes formes de son nom et d'en choisir une par défaut.
- Pour créer son idHAL, aller dans [Mon espace/Mon profil](#) puis cliquez sur l'onglet  **Créer mon IdHAL**

# Création de l'IdHAL



# CV

**Exemple de CV dans HAL** Titre de la page

**Mes recherches** Contenu. Texte libre

**DISCIPLINES**

**MOTS-CLÉS**

**ANNÉE DE PRODUCTION**

**NOM DES REVUES**

**IDENTIFIANTS CHERCHEUR**

**AFFILIATIONS**

**THÈSE**

**ARTICLE DANS UNE REVUE**

**COMMUNICATION DANS UN CONGRÈS**

**Affichage des widgets selon l'ordre choisi**

**Liste dynamique des publications, classées par type de publication. L'ordre d'affichage peut être choisi**

-Publications par type :

- Articles de revue
- Communications congrès
- Pré-publication
- Poster
- Thèse, HDR
- ...

-Widgets à sélectionner:

- Identifiants
- Réseaux sociaux
- Co-auteurs
- Revues
- Disciplines
- Mots-clés
- Affiliations
- Projets
- ...

<https://cv.archives-ouvertes.fr/mon-idhal>

# Liens utiles

- Documentation HAL : <https://doc.archives-ouvertes.fr/>
- Blog du CCSD sur HAL : <https://www.ccsd.cnrs.fr/blog/>
- Sherpa-Romeo <http://www.sherpa.ac.uk/romeo/index.php>
- Page archive ouverte de la bibliothèque de l'Institut Pasteur (Paris)  
<https://webext.pasteur.fr/biblio/ressources/oai/>
- Libre accès à l'information scientifique et technique Inist-CNRS (actualités OA)  
<http://openaccess.inist.fr/>
- H2020 et Open Access (version 3.2 mars 2017)  
[http://ec.europa.eu/research/participants/data/ref/h2020/grants\\_manual/hi/oa\\_pilot/h2020-hi-oa-pilot-guide\\_en.pdf](http://ec.europa.eu/research/participants/data/ref/h2020/grants_manual/hi/oa_pilot/h2020-hi-oa-pilot-guide_en.pdf)
- Vidéo : Privé de Savoir #Datagueule 63  
<https://www.youtube.com/watch?v=WnxqoP-c0ZE>

Nous contacter : [hal-riip@pasteur.fr](mailto:hal-riip@pasteur.fr)